

250030_ST25.txt
SEQUENCE LISTING

<110> University of Pittsburgh of the Commonwealth System of
Higher Education
Carnegie Mellon
Sfeir, Charles
Campbell, Phil
Jadlowiec, Julie A.

<120> METHOD OF INDUCING BIOMINERALIZATION, METHOD OF INDUCING BONE
REGENERATION AND METHODS RELATED THERETO

<130> 250030

<140> 10/568,998
<141> 2006-12-18

<150> US 60/496,245
<151> 2003-08-19

<150> PCT/US04/027076
<151> 2004-08-19

<160> 43

<170> PatentIn version 3.5

<210> 1
<211> 572
<212> PRT
<213> Mus musculus

<400> 1

Gly Ile Glu Thr Glu Gly Pro Asn Lys Gly Asn Lys Ser Ile Ile Thr
1 5 10 15

Lys Glu Ser Gly Lys Leu Ser Gly Ser Lys Asp Ser Asn Gly His Gln
20 25 30

Gly Val Glu Leu Asp Lys Arg Asn Ser Pro Lys Gln Gly Glu Ser Asp
35 40 45

Lys Pro Gln Gly Thr Ala Glu Lys Ser Ala Ala His Ser Asn Leu Gly
50 55 60

His Ser Arg Ile Gly Ser Ser Ser Asn Ser Asp Gly His Asp Ser Tyr
65 70 75 80

Glu Phe Asp Asp Glu Ser Met Gln Gly Asp Asp Pro Lys Ser Ser Asp
85 90 95

Glu Ser Asn Gly Ser Asp Glu Ser Asp Thr Asn Ser Glu Ser Ala Asn
100 105 110

Glu Ser Gly Ser Arg Gly Asp Ala Ser Tyr Thr Ser Asp Glu Ser Ser
Page 1

115

120

125

Asp Asp Asp Asn Asp Ser Asp Ser His Ala Gly Glu Asp Asp Ser Ser
 130 135 140
 Asp Asp Ser Ser Gly Asp Gly Asp Ser Asp Ser Asn Gly Asp Gly Asp
 145 150 155 160
 Ser Glu Ser Glu Asp Lys Asp Glu Ser Asp Ser Ser Asp His Asp Asn
 165 170 175
 Ser Ser Asp Ser Glu Ser Lys Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Asp
 180 185 190
 Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 195 200 205
 Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Asn
 210 215 220
 Ser Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Gly Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 225 230 235 240
 Ser Ser Asp Thr Cys Asp Ser Ser Asp Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 245 250 255
 Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
 260 265 270
 Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 275 280 285
 Ser Ser Ser Cys Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 290 295 300
 Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Ser Ser Asp Ser Ser Ser
 305 310 315 320
 Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Ser Ser
 325 330 335
 Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
 340 345 350
 Gly Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Ala Ser Ser Asp Ser Ser Ser
 355 360 365

250030_ST25.txt

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 370 375 380

Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Glu Ser Ser Asp Ser Ser
 385 390 395 400

Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 405 410 415

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser
 420 425 430

Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
 435 440 445

Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 450 455 460

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 465 470 475 480

Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
 485 490 495

Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 500 505 510

Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Asp Ser Lys
 515 520 525

Asp Ser Ser Ser Asp Ser Ser Asp Gly Asp Ser Lys Ser Gly Asn Gly
 530 535 540

Asn Ser Asp Ser Asn Ser Asp Ser Asn Ser Asp Ser Asp Ser Asp Ser
 545 550 555 560

Glu Gly Ser Asp Ser Asn His Ser Thr Ser Asp Asp
 565 570

<210> 2
 <211> 460
 <212> PRT
 <213> MUS musculus

<400> 2

Glu Ser Gly Ser Arg Gly Asp Ala Ser Tyr Thr Ser Asp Glu Ser Ser
 1 5 10 15

250030_ST25.txt

Asp Asp Asp Asn Asp Ser Asp Ser His Ala Gly Glu Asp Asp Ser Ser
 20 25 30
 Asp Asp Ser Ser Gly Asp Gly Asp Ser Asp Ser Asn Gly Asp Gly Asp
 35 40 45
 Ser Glu Ser Glu Asp Lys Asp Glu Ser Asp Ser Ser Asp His Asp Asn
 50 55 60
 Ser Ser Asp Ser Glu Ser Lys Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Asp
 65 70 75 80
 Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 85 90 95
 Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Asn
 100 105 110
 Ser Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Gly Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 115 120 125
 Ser Ser Asp Thr Cys Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 130 135 140
 Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
 145 150 155 160
 Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Ser Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 165 170 175
 Ser Ser Ser Cys Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 180 185 190
 Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Ser Ser Asp Ser Ser Ser
 195 200 205
 Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Ser Ser
 210 215 220
 Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
 225 230 235 240
 Gly Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Ala Ser Ser Asp Ser Ser Ser
 245 250 255
 Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Ser Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 260 265 270

250030_ST25.txt

Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Glu Ser Ser Asp Ser Ser
 275 280 285

Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 290 295 300

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser
 305 310 315 320

Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
 325 330 335

Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 340 345 350

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 355 360 365

Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
 370 375 380

Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 385 390 395 400

Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Asp Ser Asp Ser Lys
 405 410 415

Asp Ser Ser Ser Asp Ser Ser Asp Gly Asp Ser Lys Ser Gly Asn Gly
 420 425 430

Asn Ser Asp Ser Asn Ser Asp Ser Asn Ser Asp Ser Asp Ser Asp Ser
 435 440 445

Glu Gly Ser Asp Ser Asn His Ser Thr Ser Asp Asp
 450 455 460

<210> 3
 <211> 1719
 <212> DNA
 <213> Mus musculus

<400> 3
 ggaatagaaa ctgaaggctc caacaaagc aacaaaagta ttattaccaa agaactctggg 60
 aaactcagtg gaagtaaaga tagcaatgga caccaaggag tggagctgga caaaaggaat 120
 agcccaaagc aaggggagtc tgacaagcct caaggcactg ctgagaaatc agctgccac 180
 agtaacctgg gacacagcag gataggtagc agcagcaata gtgatgggca tgacagttac 240

250030_ST25.txt

gagttcga	acgagtc	catgca	aggagat	gatccca	agagcagc	acga	atcta	acgga	300	
agtgacg	aa	gtgacac	taa	ctctgaa	agc	gccaat	gaga	gtggcag	ccg	360
tcttacac	at	ctgatga	atc	aagtga	tga	gacaat	gaca	gtgactca	caca	420
gacgatag	ca	gtgatga	ctc	atctggt	gat	ggtgacag	tg	acagta	atgg	480
agcgagag	tg	aggaca	agga	cgaatc	tga	agcagtg	acc	atgaca	acag	540
gagagcaa	t	cagacag	cag	tgacag	tagt	gacgacag	ca	gtgacag	cag	600
gacagcag	tg	acagcag	tga	cagtag	tga	agtagtg	aca	gcagcg	cag	660
agcgacag	ca	acagtag	tga	tgacag	cagc	gacagcag	c	gtagtag	tga	720
agcagtg	aca	ctgtg	acag	cagtgac	cagc	agcgatag	ca	gtgacag	cag	780
gacagcag	c	atagcag	tga	cagcag	tga	agtagtg	aca	gcagtg	acag	840
agcagtag	ta	gtgacag	cag	cagcag	cagc	agttgtag	tg	acagcag	cga	900
agcagtg	aca	gcagc	gatag	cagtgac	cagc	agtgacag	ca	gcagcag	cga	960
agtagca	aca	gcagtg	acag	tgacag	cagc	agtgacag	ca	gcagcag	cag	1020
gacagcag	tg	acagtag	tga	cagcag	tga	agtagtg	gga	gcagtg	acag	1080
agtgccag	ca	gcgacag	cag	cagtag	tagt	gacagcag	c	acagcag	tag	1140
agcagtg	aca	gtagt	acag	cagc	agc	agtaga	ca	gtgagag	cag	1200
aacagcag	tg	acagcag	cga	cagtag	tga	agcagtg	aca	gtagcag	cag	1260
agtgacag	ta	gcgacag	cag	tgacag	tagc	aacagtag	c	acagcag	tga	1320
agcagcga	ca	gtagt	acag	cagca	acag	agtgacag	ca	gtgacag	tag	1380
gacagcag	tg	acagcag	tga	cagcag	cagc	agtagtg	aca	gcagtg	acag	1440
agcgacag	ta	gtgacag	cag	tgacag	cagt	gacagcag	tg	acagcag	cga	1500
agcagtg	aca	gcagcag	cag	cgcagac	cagc	agtgacag	ca	gcgacag	cag	1560
gacagcag	tg	acagtg	acag	caaggat	agc	agttctg	aca	gcagtg	atgg	1620
tctggtaa	t	gcaacag	tga	cagcaac	agt	gacagca	aca	gtgacag	tga	1680
gaaggcag	tg	acagta	acca	ctcaacc	agt	gatgatt	ag			1719

<210> 4
 <211> 1383
 <212> DNA
 <213> Mus musculus

<400> 4										
gagagtg	ggca	gccgtg	ggaga	tgcttct	tac	acatct	gatg	aatcaag	tga	60
gacagtg	act	cacatg	cg	ggg		agaag	acgat	agcagtg	atg	120
agtgacag	ta	atgg	tgtg	tg	acag	cag	cag	agtg	agg	180

250030_ST25.txt

gaccatgaca acagcagtga cagtgcagagc aaatcagaca gcagtgacag tagtgacgac 240
 agcagtgaca gcagcgacag tagtgacagc agtgacagca gtgacagtag tgacagtagt 300
 gacagcagcg acagcagtga cagcagcgac agcaacagta gtatgtacag cagcgacagc 360
 agcggtagta gtgacagcag cgacagcagt gacacctgtg acagcagtga cagcagcgat 420
 agcagtgaca gcagtgacag cagtgcagc agcgatagca gtgacagcag tgacagtagt 480
 gacagcagtg acagcagcga cagcagcagt agtagtgaca gcagcgacag cagcagttgt 540
 agtgacagca gcgacagcag tgacagcagt gacagcagcg atagcagtga cagcagtgac 600
 agcagcagca gcgacagcag cagcagtagc aacagcagtg acagtagtga cagcagtgac 660
 agcagcagca gcagcgacag cagcgacagc agtgacagta gtgacagcag tgacagtagt 720
 ggcagcagtg acagcagcga cagtagtgcc agcagcgaca gcagcagtag tagtgacagc 780
 agcgacagca gtagtagtag tgacagcagt gacagtagtg acagtagtga cagcagtgat 840
 agcagtgaga gcagcgacag cagtaacagc agtgacagca gcgacagtag tgacagcagt 900
 gacagtagcg acagcagcga cagtagtgac agtagcgaca gcagtgacag tagcaacagt 960
 agcgacagca gtgacagcag tgacagcagc gacagtagtg acagcagcaa cagtagtgac 1020
 agcagtgaca gtagcgacag tagtgacagc agtgacagca gtgacagcag cgacagtagt 1080
 gacagcagtg acagtagtga cagcagcgac agtagtgaca gcagtgacag cagtgacagc 1140
 agtgacagca gcgacagcag cgacagcagt gacagcagcg acagcagcga cagcagtgac 1200
 agcagcgaca gcagcaacag cagtgcagc agtgacagtg acagcaagga tagcagttct 1260
 gacagcagtg atggtagacag caagtctggt aatggcaaca gtgacagcaa cagtgacagc 1320
 aacagtgaca gtgacagtga cagtgaaggc agtgacagta accactcaac cagtgatgat 1380
 tag 1383

<210> 5
 <211> 936
 <212> PRT
 <213> Mus musculus

<400> 5

Met Lys Met Lys Ile Ile Tyr Ile Cys Ile Trp Ala Thr Ala Trp
 1 5 10 15

Ala Ile Pro Val Pro Gln Leu Val Pro Leu Glu Arg Asp Ile Val Glu
 20 25 30

Asn Ser Val Ala Val Pro Leu Leu Thr His Pro Gly Thr Ala Ala Gln
 35 40 45

Asn Glu Leu Ser Ile Asn Ser Thr Thr Ser Asn Ser Asn Asp Ser Pro
 Page 7

50

55

60

Asp Gly Ser Glu Ile Gly Glu Gln Val Leu Ser Glu Asp Gly Tyr Lys
65 70 75 80

Arg Asp Gly Asn Gly Ser Glu Ser Ile His Val Gly Gly Lys Asp Phe
85 90 95

Pro Thr Gln Pro Ile Leu Val Asn Glu Gln Gly Asn Thr Ala Glu Glu
100 105 110

His Asn Asp Ile Glu Thr Tyr Gly His Asp Gly Val His Ala Arg Gly
115 120 125

Glu Asn Ser Thr Ala Asn Gly Ile Arg Ser Gln Val Gly Ile Val Glu
130 135 140

Asn Ala Glu Glu Ala Glu Ser Ser Val His Gly Gln Ala Gly Gln Asn
145 150 155 160

Thr Lys Ser Gly Gly Ala Ser Asp Val Ser Gln Asn Gly Asp Ala Thr
165 170 175

Leu Val Gln Glu Asn Glu Pro Pro Glu Ala Ser Ile Lys Asn Ser Thr
180 185 190

Asn His Glu Ala Gly Ile His Gly Ser Gly Val Ala Thr His Glu Thr
195 200 205

Thr Pro Gln Arg Glu Gly Leu Gly Ser Glu Asn Gln Gly Thr Glu Val
210 215 220

Thr Pro Ser Ile Gly Glu Asp Ala Gly Leu Asp Asp Thr Asp Gly Ser
225 230 235 240

Pro Ser Gly Asn Gly Val Glu Glu Asp Glu Asp Thr Gly Ser Gly Asp
245 250 255

Gly Glu Gly Ala Glu Ala Gly Asp Gly Arg Glu Ser His Asp Gly Thr
260 265 270

Lys Gly Gln Gly Gly Gln Ser His Gly Gly Asn Thr Asp His Arg Gly
275 280 285

Gln Ser Ser Val Ser Thr Glu Asp Asp Asp Ser Lys Glu Gln Glu Gly
290 295 300

250030_ST25.txt

Phe Pro Asn Gly His Asn Gly Asp Asn Ser Ser Glu Glu Asn Gly Val
 305 310 315 320
 Glu Glu Gly Asp Ser Thr Gln Ala Thr Gln Asp Lys Glu Lys Leu Ser
 325 330 335
 Pro Lys Asp Thr Arg Asp Ala Glu Gly Gly Ile Ile Ser Gln Ser Glu
 340 345 350
 Ala Cys Pro Ser Gly Lys Ser Gln Gly Ile Glu Thr Glu Gly Pro Asn
 355 360 365
 Lys Gly Asn Lys Ser Ile Ile Thr Lys Glu Ser Gly Lys Leu Ser Gly
 370 375 380
 Ser Lys Asp Ser Asn Gly His Gln Gly Val Glu Leu Asp Lys Arg Asn
 385 390 395 400
 Ser Pro Lys Gln Gly Glu Ser Asp Lys Pro Gln Gly Thr Ala Glu Lys
 405 410 415
 Ser Ala Ala His Ser Asn Leu Gly His Ser Arg Ile Gly Ser Ser Ser
 420 425 430
 Asn Ser Asp Gly His Asp Ser Tyr Glu Phe Asp Asp Glu Ser Met Gln
 435 440 445
 Gly Asp Asp Pro Lys Ser Ser Asp Glu Ser Asn Gly Ser Asp Glu Ser
 450 455 460
 Asp Thr Asn Ser Glu Ser Ala Asn Glu Ser Gly Ser Arg Gly Asp Ala
 465 470 475 480
 Ser Tyr Thr Ser Asp Glu Ser Ser Asp Asp Asp Asn Asp Ser Asp Ser
 485 490 495
 His Ala Gly Glu Asp Asp Ser Ser Asp Asp Ser Ser Gly Asp Gly Asp
 500 505 510
 Ser Asp Ser Asn Gly Asp Gly Asp Ser Glu Ser Glu Asp Lys Asp Glu
 515 520 525
 Ser Asp Ser Ser Asp His Asp Asn Ser Ser Asp Ser Glu Ser Lys Ser
 530 535 540
 Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
 545 550 555 560

250030_ST25.txt

Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 565 570 575
 Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Asn Ser Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 580 585 590
 Ser Gly Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Thr Cys Asp Ser Ser
 595 600 605
 Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 610 615 620
 Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 625 630 635 640
 Ser Ser Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Ser Cys Ser Asp Ser Ser
 645 650 655
 Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 660 665 670
 Ser Ser Ser Ser Asp Ser Ser Ser Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser
 675 680 685
 Asp Ser Ser Asp Ser Ser Ser Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 690 695 700
 Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Gly Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 705 710 715 720
 Ser Ala Ser Ser Asp Ser Ser Ser Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
 725 730 735
 Ser Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 740 745 750
 Ser Ser Glu Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 755 760 765
 Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
 770 775 780
 Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
 785 790 795 800
 Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
 805 810 815

250030_ST25.txt

Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
820 825 830
Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
835 840 845
Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser
850 855 860
Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser
865 870 875 880
Asp Ser Ser Asp Ser Asp Ser Lys Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
885 890 895
Gly Asp Ser Lys Ser Gly Asn Gly Asn Ser Asp Ser Asn Ser Asp Ser
900 905 910
Asn Ser Asp Ser Asp Ser Asp Ser Glu Gly Ser Asp Ser Asn His Ser
915 920 925
Thr Ser Asp Asp Thr Ser Asp Asp
930 935

<210> 6
<211> 17277
<212> DNA
<213> Mus musculus

<400> 6
gaattctttt ccattggtta acgtaaaaga ccactactta attgagtttag cttaggctca 60
acaaacagac ttatataaac ttaacttcct tcacatttat gaaaaattaa tcagtatcgg 120
cactgagaag gcagaaacag gtagaactcc atgagtttca ggccagcctg atctacatag 180
gaattctagg acaagcaggg ctaggtagag ataccctatc tcaaaaaacc aaaacccaaa 240
aacattacgt ttaagcagat ttagttttga ccctaaatgt ttgtcttagt gaaggtccca 300
aatgctctta gcaaatgttt ctttgtgtag ttggagagtg ttgtgtgcta atacagctat 360
caagcacttc tgtttagaca ccgaagatct tcttaactct ccatacaggtc tggagagctg 420
ttcaaactcg ctattacaac caagtttagga agaggaaggc aattcctgag gaaagtggca 480
ttcttaata tgattggccc ttaaatgagc tcaaagaacc aagaaccatg cagtgtaaat 540
aatagcaaag tgtttactat ggaagtgcag ctctgaggaa actcccttc tactactgga 600
acctgtccaa tcctacctta catgaatatg ttgtttaatt ctctcagtat aaagctctga 660
agatgctggt gctggatagat gatttaatat ttctgatcat atgtgtttga catctttcag 720

250030_ST25.txt

tagtgtgaca taaaaacatg gacacatccc taagctggta cacagagact ccaattgcct	780
agtgtggagc tcataagcta gagaaatggc tcagggatca tcttgtatat ccagggctcg	840
agagaatgat gggttcaggc aagtactttt tcctttctgg aagcacagcc tgttttccta	900
ttctgtactc tatagtttac acatatagtg gagcaaaaga tgaaagctgt gtctgtggtg	960
tgtgtgtgtg tgcactctgt acttacgcat agatacctta caccatgttt cacccttgga	1020
acagctattt ttaaatntag ttgtatttaa attaatagat tataaagaaa aaccctaaac	1080
ctttatgtca gtgttttagat taaatcagaa aggttcctg aagtactgt ttataaattc	1140
ttttaagat cccttaggca gtgtcaagac tgttgcatgc ggacagccgc ttgaattata	1200
gcgcaccaac ttaatatgt acctcaggaa tgataggggt cttaaatagc cagtcgtatt	1260
tactagagaa acctagagtt ttcttagatt gccgacctaa gcaagaggag aaatgcaggg	1320
tgacagagtc taagtggctc ttttcagata tatcacactg attatctata ttaagacac	1380
aaaacagtct tccaggagct atttaattaa gtgaaagtaa gtctagtcct tttggaacca	1440
aaggctctag tgagccaacg taccggcgag cgagggagtg gggcgttatt acagcctcat	1500
aggcacactg actcttttaa cccccacatc agggatccta agcagtgatt ggttgagaaa	1560
attatcaaac tgaattttaa tttcagcagg taaaaattg tcacgcaaaa agccccaggac	1620
agtgtgccac tctcagcctg gaaagagaga taaggaaatc tggattttca aagtcacctc	1680
ggaggctttg aaggtaagat ggactccctc ctgccaggag ccaactgtct cctgttgaga	1740
gaatctccag ctgcagagat gagggtgact tgggataaag tttttaactc ttcagggtcta	1800
cactatata taaagataat gtgtgattca ggaaggggtg ctaagccatc tgatgagacc	1860
atctgataag acgacgaatc actggggagc agaactgatt ttgccccagt atattgttga	1920
gactttatct cctataggaa aaacctaaga tgaacaacac attctaattg tattaattaa	1980
aaaaaaacag tacctgaagg gttttatgta tagttctcta tagctctatt tttgttattt	2040
tcattcagga aaatactttt aagagctata aacctagta aaggtgtttt acagccttgt	2100
ccttggaatg ttgggagtg tgggatttaa caaatgagaa tcacacactg tcttctctct	2160
cgagacagag acatggatga tgcagtgtcc aaacaccagc tcttcttgag agataagctg	2220
ggtttggggg tttgatttaa tcatggctct tcatgatctc aaggtctgcc tagtgtttat	2280
gattaaagct ctatggcgaa aagaattgtg gttctctcca gggctcagta tctgcctgat	2340
attaatcttc cgatgttcac tgactggacc taataaataa atctccattt aaacttagta	2400
tcttgactca gagtcaactt aggatctggg agcgtaattt tctggcatgt gatgtgaagt	2460
ttctaaaagt agacgctcaa acagttttat gtagaaaaa cacagatctg tcaagctgat	2520
ttttcagctc caaatttcat gataataggt ttagggaata caaagacata ttgcctcaag	2580

250030_ST25.txt

ttggcaaaaa	ttgaggtgga	aatttgaatg	tggtcacttt	gaatggtttt	gatttaagaa	2640
aaaatagata	acttgatttg	taaatacttt	taaaatattt	ttattcattc	cctgagaagt	2700
ttgtgtggtg	tggtctgatt	gctctcccca	gatctgcctt	tggtctttac	tcacacaact	2760
ttgtgctctt	ttgttaaaga	aacaaaacaa	gagccatgca	caccagtttg	tgctcctcaa	2820
atgtactcag	ctgtgtggcc	atctgctggg	ttctgggtgc	cttaccaggg	gctacattct	2880
tggaagacac	tgctcttctt	tttttcccac	cacctattgt	taattgttct	tcattgtccag	2940
ctttctcttc	cttgctggga	tttggtctga	cttgggcttg	cacggctggg	tgcaaggctgt	3000
cagaagcgct	gtgaagatag	ctcgggtagt	ttaagtctac	ctcaggcatt	ccaacaaggc	3060
cctcacaatg	aggctttgct	tttctgggtc	ttcttagtga	gtgatataat	cattctaact	3120
ggctattcat	acatttcac	tagtgtgggg	caataaatgg	gacaatttaa	aggagcctca	3180
attctaata	ctggttattt	ccaccagggt	ctttgatatg	gttgacctgc	cttgccaaca	3240
gggtcaagta	tcatatatgt	cagtgtctga	gtggaatgt	ggtgtgtgtg	tggtgtgtgtg	3300
tccgtgtgtg	tggtgtgtgt	tggtgtgtgt	taaggaggga	tggaagggtg	atggtgggag	3360
acaggaattc	tcagatggct	agatttcagt	ttagaatta	tatgtgtgtg	tggtgtgtgtc	3420
tgctgtctgt	tctggacttt	attgcaggta	cctttccagg	accagggtatc	cccagttcac	3480
actcggttta	gagttgccaa	gctcaagtat	aagcttggtc	tggtagacag	atggccttca	3540
cctcaactcc	tgcccttggg	gctttgtctc	aaggcacctc	atttttagttt	gtagaataat	3600
tgaaggggacc	ccagcttttc	ttagctttct	cttgacagct	ataagggaag	gtgaagcatc	3660
tttttcagag	atcctagaat	tgtgtttctc	cttctgtcaa	gtaataaaca	atatatatct	3720
attgatgttt	tattctattc	ccctattaac	cttggtattt	aatcaaggac	attttatgat	3780
gtgcaagggt	gtaatcatta	attcttgttg	aaggtcacaa	gataggagaa	aacaattctt	3840
tctatagtaa	aacaccatga	tacaataaaa	tttagtttta	gaaaatggga	acctgaagtt	3900
ttgattcaca	tagattttta	tagttttaca	ggctccattc	caatgtatga	aaaatatgta	3960
tctgattctg	tgaatttgca	ttgcaagggt	tgaaagattt	cactcttgaa	gcctctctcc	4020
ttcagctcct	ccctcagtc	gagactgcat	agtgcccggg	taagggtggg	gtgtcctttg	4080
tcctcaggag	tgcttgttca	gcagcaggct	ctgcaagggt	acctttgctt	tgctcagaag	4140
acactgatga	tcaagatgct	ggcgtgggct	ccgagacctg	atgccagtga	ggaggaagat	4200
ggggtagcta	ggcaacttca	aaacagtcca	atgtgctgcc	agcatcgagc	gagcggaggg	4260
tgacaagct	gatgctgtgt	gaggaaggga	gctaagaatg	ccttcagaaa	gctttttggg	4320
ggtgattctt	ctgccaacct	ctaggatatt	gtgagctaca	gagttattaa	accagactga	4380
ggaacaaaa	gcccaataaa	gctattgaaa	gtgcccaagc	tcagagagca	gatagcaggg	4440
gaaggatttg	aattcaggga	tctgaaacca	aatcctgtgt	tctctctctt	agcctaactt	4500

250030_ST25.txt

ctctcttctt taaacactgt aagaggaaga ttcttctctt ttactgggat aacgcccaat	4560
tctatataga ccagggtgga aattacaagt gctttatcat ttacaatcta cttttagtta	4620
atgatgctta aagctagccc aggagagacg ttacctcat ggataacagc atagggccag	4680
agccacgagc tatgtactct gtatcttcat ggctgttgct tccacaggca ggtagagtca	4740
gaagccatga cagtcctgag catgcagagg cccccacata cccaggttta ttcttggaac	4800
ctggggtgtt ttctcacatt agtactttct ctttgtccta gaaaagggcc aaatgtaaga	4860
cctaaatatt ggggtactgt ggctgtcatc ttcatctta tgacctgtt tgtgggttc	4920
tttgtctaa acagacattg attactactc ataataaaaa tgaagataat tatatatata	4980
tgcatttggg caactgctgt ggccattccg gtaaggcttt tcccaatcaa gcttcttact	5040
ttgtgtatc tttaaccca atgttgaaat gtaacatatt tcttatggg ttacagaga	5100
agttgagtct aaacattaat agaaatgtta agatttgcat tgcagctatt atgtgatatc	5160
atatggggtc tcgatgaagg caaacacatg caccaatgca tgctccctcc attcctgttg	5220
aaacatccta atgaagaat gaccttttt ttttaaagtt tatccaaatt aattcagtcg	5280
tccaaagtca tgaagcttgt ctgcttcatt ccacacgaat tccactgtaa tgtcaacaca	5340
ctgtattctg tttgggaaaa aactgaagaa agaacaggag ctaaaagtca gatctttcaa	5400
tgtttcatgt gtgcatttgt gtgttcactg tgggaaatct ggagcatcag aacaagtaca	5460
aaggcagaaa cattaagaaa gtcgatctgt ttgtcatctc atcagctggc ttccacatct	5520
aacattgtca cagggcgcta cataaccaga ttctgggttg ttctgttact tgagaagttt	5580
tgaagcact ccgagctcac tcttgacggg tgagaattat cagctaccgg ggctgcttct	5640
ccagtgggcc actctcatgt tgctttaggg gtttggggct gatcgacaac aacattataa	5700
aaatcctcac ttctctgccc tgaaacccca cataagcacc gcagcaggct ctttctcttc	5760
tctacacgat cagagtgcga tctgacctc atataatac tgtgtctcaa cctctgcagg	5820
ttcccagtt agtaccactg gaaagagaca ttgttgaaaa ctctgtggct gtgcctcttc	5880
taacacatcc aggaactgca gcacaggtaa aagacagaaa tacgaatgtc ctttctttt	5940
ctgttttcaa gggcccttta cactttacca ctttctctaa aatatccacc ctttttttc	6000
agttggcctt atttgaataa gatagccaca actgactttc aattgtgtct ctttttcaga	6060
atgagttatc tatcaacagc accactagca acagcaacga ctcccagat ggcagtgaga	6120
taggagagca ggtacttagc gaggatgggt acaaaagaga tgggaatggc tccgagtcaa	6180
tacatgtagg agggaaggat ttctctactc agcccatttt agtaaacgaa caggggaaca	6240
ctgctgaaga acacaatgac atagaaacat acgggtcatg tggggtacat gcgagaggag	6300
agaacagcac agcaaatggc atcaggagcc aggtaggcat cgttgaaaaa gcggagggaag	6360

cagagagcag tgtccacgga caggctgggc agaatacaaa atctggaggt gctagtgtatg	6420
taagccagaa tggagatgcg acccttgtcc agggaaatga gcctccagaa gctagcatca	6480
agaatagcac caaccatgag gctggaatac acgggagtg ggttgctaca catgaaacga	6540
cgctcagag agaagggctg gggagtgaga accaggggac tgaggtgaca ccaagcatcg	6600
gggaagatgc aggtttggat gatactgatg ggagtcctag cgggaacggg gttagaggag	6660
atgaagatac aggtcttggt gatggtgagg gtgcagaagc aggagatgga agggagagcc	6720
atgatggcac taagggccag gggggccaat ctcatggggg aaactactgac cacagaggtc	6780
agagttcagt tagtactgaa gatgatgatt ctaaagaaca agaaggcttc ccaaatggac	6840
acaatggaga caacagcagt gaggaaaacg gtgtgaaga aggcgacagt acccaggcaa	6900
cgcaggacaa ggaagagctc agcccaaag acacccgaga tgcagagggt gggatcatca	6960
gccagtcaga agcatgtctc tctgggaaga gccaaagatca ggtaagtta gaggcgggcg	7020
acttccattc ttccctccat actgtgatgg ctgtaccaa taactccaga caaacacgag	7080
agataaaacc ccaaccaagc ataaaagtac tatgctaagc atctgggttc tattttagtt	7140
acattgagta ttctaataa aaggctggaa ttcttataga ctttcatgta ggacaattta	7200
aaaatatata ttattttat ttatgtata gatgagtata ctgtagctgt cttaagacac	7260
accaaaagaa ggcacatgat cccattctag atgactgtga gatactatgt gattgctggg	7320
aattgaactc agggcctctg gaagaacagt cagtgtcttc aaccctctag ccacctctc	7380
aatatgtctc tgatatagga caatttttaa aaattcacaa acttctgtaa aattagtcag	7440
aatgctagaa gtcaagctgc ataacggctc catgatgtct ttgtaagaca ttttattagt	7500
ttacattcat cacacagaat gaccagcttc actatgacac ttcatattat atgcttcaag	7560
cccttatgag ttagaaaact ggatggctta ttagaggatc caaacctga tacagagcac	7620
atttgcatc aagtactaga tcagcaggcg tgcatgaatc actgcactga cagcctatac	7680
tcctgttctc aaggctact cctgagacag ttctctcag accatgatgt ttgtagcaa	7740
atattcacta attatccatt ctctttata tcgttcaca ggaatagaa actgaaggct	7800
ccaacaaagg caacaaaagt attattacca aagaatctgg gaaactcagt ggaagtaaag	7860
atagcaatgg acaccaagga gtggagctgg acaaaaggaa tagcccaaag caaggggagt	7920
ctgacaagcc tcaaggcact gctgagaat cagctgccca cagtaacctg ggacacagca	7980
ggataggtag cagcagcaat agtgatgggc atgacagtta cgagttcgat gacgagtcca	8040
tgcaaggaga tgatcccaag agcagcgacg aatctaacgg aagtgcagaa agtgacacta	8100
actctgaag cgccaatgag agtggcagcc gtggagatgc ttcttacaca tctgatgaat	8160
caagtgtatg tgacaatgac agtgactcac atgcgggaga agacgatagc agtgatgact	8220
catctgtgta tggtgacagt gacagtaatg gtgatggatg cagcagagagt gaggacaagg	8280

250030_ST25.txt

acgaatctga cagcagtgac catgacaaca gcagtgacag tgagagcaaa tcagacagca	8340
gtgacagtag tgacgacagc agtgacagca gcgacagtag tgacagcagt gacagcagtg	8400
acagtagtga cagtagtgac agcagcgaca gcagtgacag cagcgacagc aacagtagta	8460
gtgacagcag cgacagcagc ggtagtagtg acagcagcga cagcagtgac acctgtgaca	8520
gcagtgacag cagcgatagc agtgacagca gtgacagcag tgacagcagc gatagcagtg	8580
acagcagtg cagtagtgac agcagtgaca gcgacgacag cagcagtagt agtgacagca	8640
gcgacagcag cagttgtagt gacagcagcg acagcagtg cagcagtgac agcagcgata	8700
gcagtgacag cagtgacagc agcagcagcg acagcagcag cagtagcaac agcagtgaca	8760
gtagtgacag cagtgacagc agcagcagca gcgacagcag cgacagcagt gacagtagtg	8820
acagcagtg cagtagtggc agcagtgaca gcgacgacag tagtgccagc agcgacagca	8880
gcagtagtag tgacagcagc gacagcagta gtagtagtga cagcagtgac agtagtgaca	8940
gtagtgacag cagtgatagc agtgagagca gcgacagcag taacagcagt gacagcagcg	9000
acagtagtga cagcagtgac agtagcgaca gcgacgacag tagtgacagt agcgacagca	9060
gtgacagtag caacagtagc gacagcagtg acagcagtg cagcagcgac agtagtgaca	9120
gcagcaacag tagtgacagc agtgacagta gcgacagtag tgacagcagt gacagcagtg	9180
acagcagcga cagtagtgac agcagtgaca gtagtgacag cagcgacagt agtgacagca	9240
gtgacagcag tgacagcagt gacagcagcg acagcagcga cagcagtgac agcagcgaca	9300
gcagcgacag cagtgacagc agcgacagca gcaacagcag tgacagcagt gacagtgaca	9360
gcaaggatag cagttctgac agcagtgatg gtgacagcaa gtctggtaat ggcaacagtg	9420
acagcaacag tgacagcaac agtgacagtg acagtgacag tgaaggcagt gacagtaacc	9480
actcaaccag tgatgattag atcagagaga acccatgata tcctctgtgt gacctcttgg	9540
tgaggtgatg ggaaggcagt gaaggttcct aacccaatga tgacaggaga gatgtgcaga	9600
ctgtgtggaa cccatggagc tcatagggag tggagccgag ctccagctct ctgagagaga	9660
atctgggtgt accacctttg gtacatgtgt gttaaaatat attcatgttc agaaaaatatt	9720
tttaaaagga taaatctaaa caatacttta acaggaactg aagaaatcac taagacacat	9780
agcttcgatt tgaatggcgg gtgctttaaa gagcagagct agcaatgtca cagcctgctg	9840
cagcctcttc cctcagtgct ccgggcacca gagagctagt ctcatgttg tgacagtagt	9900
aatgctgttc tgtgacattc aactcaacta ctctgtcatt tatttattcc ggggaaaaatt	9960
acatttaggg cataatcaaa acaccgtgac aactactggc cctatccaag gtgctgagat	10020
aatctttgtg atgagacaat agctatacat tatgaaaaatt ccgaagaatg aatgagaaaa	10080
gagccccaag gatggcttgg gcaggatctg acacatgcgg ttaaatttct gcattgggatg	10140

gatatgtact aagtcccca cccctgcact ttgaacagtg tctcccttcc agcagtgggc	10200
ctcaaacctt aaataaacga gcaacacgga tggatgattt cgaggagggtg gatcatattc	10260
tgagctctcc atgtaccact gtgttatttag ttttcttcga atcacagctc aaacagttta	10320
atcaagagtt gtaaggctgt gcgtagacaag agtgggaccc tgtttgggct ctagggtccc	10380
tctgaaagca agagaggtaa tgagaataaa ccacaccaag acaggagggtg tgaactggga	10440
ttgtctcaag aaaaccctaa cctcaagcc ttaaggatat ttttgaagat ttagggtttt	10500
cctttgtcat ttccctattt ccccatag gcagttatgc caaatttggg ttaatataga	10560
actattaat acattataat gataatctac tctattctca ttttaggctt attttacca	10620
gagtttcaga agagtttctt ttctcagggtg ctacacctct tttgtgagag tttctgagtt	10680
aaggaatatt gctgaggctt tcacacgctg ctatctgtaa acgcgttgta acgcccacac	10740
tgtaaagctc caggcttctg tgagctgccag cagctgtgac gtgactccag acccctcacc	10800
agaaagtaaa ggttcagctt ttgccttcta ctgacccca aactctcctt tgtttgctgt	10860
aacttatgaa gcacctgcct ctagtaaccc gccacaccca ctcatcgagg ttgtgatcac	10920
taagccatg ggtgaaaaa tcatcgtaaa ctgtgtaaga aatgtaagg aagagataat	10980
gaacttcagt attataataa acatctattt atacaattgc tcactgagta aattcttcac	11040
tcatagtctg caaacattgt cccctcccc attgtaaaat ctgggtgtgta agattatact	11100
tcttacacat atttagccat tcttattaaa atagggtattt gtgaacacaa aatacaaat	11160
tcaaatacta cttaaaaaa gtacacataa tactaaacct ttgtcatcca acccacaatt	11220
tcttttctct agaggcaatt cctcttacta atgttttaca gatattccag aaatattgta	11280
tgactatggt cacctttaag aagtctgtgg tattgtacca cacacaatgc actcatttta	11340
catgtcaact tagcagtatg ccttgaacat tggctcatag cacgtagatc aacttcattt	11400
ctttgtagtt ctgctcattt catgaaccag tataagatat ttatcctgtg ctcatgatatt	11460
ctagataata gcccacaagta agtgctatgg tcaactgggtt atttctgtga agagacacca	11520
tgaccacaga aactcttata aaggaaaagca tttaattggg gcttgtttac aggttcagag	11580
gtttaagtcc attattgaca cagtggggag catggtagct gaaagtctca catctgaatc	11640
cgtaggcaga ggagaaggag ctactgtgtt ggggttgatc gtgtgctgct gtgtattcaa	11700
atactggccc ctgagatctg attgccccat gagatcctca catacaccac gtgatgcaat	11760
ctaaaccttg cttccaaga attggtcaat aaaagactaa agtctgaaat tgggcagtag	11820
agagaaaaag gtgggagact tgaggatcaa atagagttag gggctctcagg agagaccaa	11880
gatggaggag agaaggaggc gacaagaaa ggaggtagct gccataatag gagatggatc	11940
atgagcacgt ggacaggagc aactgacaag ggacatatgg tctggatgta agttacaata	12000
gtctaaaaac tacccaatat aggcttacag cttgtaaaaa aataaccagg accgtgtgct	12060

250030_ST25.txt

ttatatgggc tagctggaat atataattcc ttttcaaatt ggcgccaca tgggacaata	12120
agagcccaag cttacagcct gagaagggta ggggtggggt ggggtgatga ggtgggaggg	12180
tggggtgagg tgggatgggg atagtcagac taactggaca agaggcatgg tctcttttaa	12240
aaaagaacga aagcagacaa aggcctcaga tactactagaa aaaactaggc ctggagctat	12300
gggtgaaggc ctgaacaac gcagaagcat ggaagattgg ggaggcctga tcaggactcc	12360
ggttgagcgg gcaagctggg tgccatagac acgtgctggc cccaaggagt ctttagacac	12420
acagcagttt ataatagagt acttctccct aactgcaata agacttaaaa ggccccaact	12480
tctgaactgg taaggtctta agtttaaat tggtaaattg atatctttaa ggaagagtc	12540
agagataaaa tggaaaaata ctttccatgt taataaaaaa aaaaaggaaa acaggacagc	12600
agaaggccct tggattcttg tatcatttca ttttagttgt catggagcta gttacaatac	12660
gttactaat gatcacaatt ttatgtcctc tctctaagaa tgttcaaat aaacagact	12720
tacataagga gagaactgag aggtggggtg gtgattacaa gcaatataga tagaagaaag	12780
aaaaaaaaag gcccttttcc ggataagaaa aaaaaggacc attggcgagg gcaagtttgg	12840
aactcagagc tctctggctg tgagatgctt gtctgctctt tctgctaagg gtcactgat	12900
acaatgttgc aacaccttaa ttccgaggag taacatacaa ggttttgctg ctacatatag	12960
agtcaataaa ttttattatt ttattggcta caaaatcttt aaacttttc atgctattat	13020
cttgaatggc atagataaaa atttatatcg aagcttggtt acagtccaaa actagtttaa	13080
gaaagatagt tgtctttcac ctgctcaaac aatcaacaaa aatcttcatt gactgacctg	13140
tgcaccttgc atagcccata cattgttggt acagaactgt atattacttg tgagaactta	13200
cttgttcact taaaataaca accaagaag cagccccaac aagatatagc cttggggatg	13260
ctgggatgcc tgctctgcc tcagattgcc ttgatgatgt ttccttggga gacttgtttc	13320
cagaatagct tcagggaggg ctgctgaccc cagatgacct cagtttgctc agtcttgcag	13380
atgggtccag caagggagtc aattaagccc tgcaatttcc tatcccacag agactggaca	13440
gcaaatgata cagttatttc tcccaggatt tggccagtat cctaatttcc ttaggccttc	13500
caagagatgt catcaacctt aaacagcaga aagcaattta aagagaacat gtcaccccat	13560
tccaagaga tagggatat gatttttagt tattctattg ggtgatggat gcttgttgtt	13620
ataaaggggt tgggtgcaag tttttaaatg gtcttgatca gggaaaaaac caaggtatag	13680
cagggttagac tcaaggattt cccttttttc tttcctctat ccttctttct tatatagggg	13740
aagaaggggt caaaacaac agggagatac aggaaaatat agaaataata agtagattat	13800
taaatctact cttagagcta ctactagcca aaaatcttac attcttatag atcttcgtat	13860
attgatacaa aattgagggt atattttggt atattgctat agatctttat atattgatac	13920

aagatttgaa gtactcatat tggcattgga	cagatgtaac tcatttgaag attttgtgta	13980
aagttctagt ctctctctaaa gctggtatta	caaactcttt aggataatta agaaatacaa	14040
gttgatagac agtcaaacac atggtaatat	tagatactag aatagtttat tacagtaaaa	14100
tacttcctag ctaaaaccaa gtttacctat	tcagatattc tgattagata gatgatcttc	14160
aaaatccttg gagacctaca gaatatgaca	ttttaaggtt ttttttaaata taaattaaga	14220
cttttcttga cattgagaca tgtcagctcc	tcgcagtacc ccattcaact tggaaaaata	14280
tgatgagcat tggaggacct tcatttgaag	atggattctg ctggagtgca actctgagtg	14340
aggaccaggg ctctcatgct cattaatgct	acttaagtaa taggttctat ggaagactca	14400
atttctgcat agctgactct cccagggaac	taccatgaat ttattctta ataaccaccg	14460
attttgaag aattgtttaca ttatcgagc	cccagccttc catgaggggc ccttagaagc	14520
aagaaattca aatattaatc agaaacacaa	gcatacgttg tgtagcaaat ttccaccaag	14580
agcagcaatg ggtcagttct gttgtccca	gcactggaac attgtcaagc aatgcctgca	14640
agagcttggc atgaccaggc ttctattatg	gcaagctagt cactgggcaa agagaatggt	14700
ctaacttcat ttgcagacag aatgctcttc	aaaatggaga aaatttggtat gcaggcaag	14760
tcgactgcca agccctgcca agacagggta	agaatatcct tcatagtctc tgcctccaca	14820
acatgcctgt cagatatact ggggcagagg	cctgaagaca gatgttccag tgttatagag	14880
aattttgggg attctccagt cagctagatg	cttgccaatt ctatagtttt ggaagctgct	14940
tgctacact tctacaacac tcagttaatt	atcccttccc aagtctctga tggggttgaa	15000
gattatatag tcatagtctc acaatgaaac	ataacaaaga atctaagaaa gtgctttagg	15060
gtctaaggag gtgtttttaag gttggtaat	gaagatcata ggattagatg gtgttttatg	15120
aaggttggag gaaattgttaa atgggtgttt	taggttggtta atgcaaat atgaaagtta	15180
gaggatttaa atgcttaaga tggtaatgga	aaaagtaatt taaatacaga actctgaact	15240
caccaagatt caatagataa aaaatatctt	ctcctaagtt gccaaataca gatggactgg	15300
acattgtgaa tatatttatt acccatggat	ttcataattg ctcttactga tatagtctct	15360
tattgtaaga gaaagatcct tttttattta	gacaaaaaag gggaaatggt ggggttggtc	15420
tgggtgctgt gtgtactcaa atactaaata	ctgggtccca agatctgatt gctctcaatg	15480
agcagcagat ctttacacac caagtgatgc	catgtaaac ttgctcccca agttattggt	15540
cgataaaagg ctaaagtctg ggattgggca	gtagagagag aaaggtggaa gacttgagga	15600
tcaaatgagg gtgtctcagg agagatcagg	ggaggagata agaaggaagt gacaagaga	15660
ggaggagggt gccatgagag gagatggatc	atgagcacat ggccaggaga aacagcaact	15720
gacaagggac atatggctggt gatataagtt	acaatagctc aaaaagtgtc ccaatatagg	15780
cttacagctt ataataaaa taccagaatc	atgcatcttt aatgtggcct agctagaata	15840

250030_ST25.txt

tgtaattcct tttataccac tgggcttaga atgtcacccc cagtgacaca cttcctccaa	15900
aaggcccat atcctaattc ttctcaagta gtgccacttt ctgatgacta agtattaatg	15960
tattggggcc attcttatcc aaactaccac agtcataata catctagcag gttcttagaa	16020
agctttctcc cttaaagagta tttttatgag gttagatgct ttaggacctt gcattatact	16080
ggaactcatg aaggaagatt atgaccttgt ttttcttgta taaccattta tatctgaatt	16140
tggaaattca gggcaaaaat ggaggagaca caattaaata tgtctcaagg ttcaatcctt	16200
tgaatgccag aaaagtatta ttagggaaaa ccttacgtta ttaccagaa taaagattaa	16260
taagcaattt cctcatactg ttcatacagg caatggtgtt taggttctat ttctaagtac	16320
atgtctcttt gtaggggaat tcccatgagc actcagggtg tcattggagac cagaagagga	16380
tgtcagatct cctggagctg gagtgaagcc acttgtaagc tgcctgatgt ggatgtcgga	16440
aatcaaaact gaaaccttta ttagccctta tactcttaat tgctgagtc tctctccagt	16500
ttctgacagc agtgttccct aaatcccagg ttgctaatac actagtcact tattataatt	16560
atatcaattt aatgagttac aaaaataact aagatgaaag agtaaggtaa aatcataaca	16620
gtgtgtgtgt aaactatata catatacata ttgtcttagt taggatttac tgtgggaaca	16680
gacacatga ccaatacaag tcttataaag ggtaacattt aattgagata gcttacaggt	16740
tcagagggtc agtccattat catcaaggca tggcagcatc caggtaggca tgggtcaaga	16800
ggactgagag ttctacatct tcacctgaag gttgctagaa gaatactgac ttccaggtag	16860
ctaggatgag ggtcttaaaag cctacaccca catttacaca cctactccaa caagactata	16920
ccaactccaa cagggtcaca cctcttaata gtgccactcc ctgggctga gcatatgcaa	16980
accatcacac acagatatgt tgaagtgcgc ctatgctaga gatgcatgca atgtcttttt	17040
aactgttggt tgtggttagg aaaattagag aaccattggt ttaggaagac attactgcc	17100
tggttaattg atactgattt tcaacattca cttttctcct tacaacctc taacttgctt	17160
gcccacttt gaagatggaa aatttaaaag aaagcacaag aaatattggg ggtgtatctg	17220
aatgggtaga agggatcgaa atgggtagaa gggatcgaaa tgggtagaag ggatcga	17277

<210> 7
 <211> 1253
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 7

Met Lys Ile Ile Thr Tyr Phe Cys Ile Trp Ala Val Ala Trp Ala Ile
 1 5 10 15

Pro Val Pro Gln Ser Lys Pro Leu Glu Arg His Val Glu Lys Ser Met
 20 25 30

250030_ST25.txt

Asn Leu His Leu Leu Ala Arg Ser Asn Val Ser Val Gln Asp Glu Leu
35 40 45

Asn Ala Ser Gly Thr Ile Lys Glu Ser Gly Val Leu Val His Glu Gly
50 55 60

Asp Arg Gly Arg Gln Glu Asn Thr Gln Asp Gly His Lys Gly Glu Gly
65 70 75 80

Asn Gly Ser Lys Trp Ala Glu Val Gly Gly Lys Ser Phe Ser Thr Tyr
85 90 95

Ser Thr Leu Ala Asn Glu Glu Gly Asn Ile Glu Gly Trp Asn Gly Asp
100 105 110

Thr Gly Lys Ala Glu Thr Tyr Gly His Asp Gly Ile His Gly Lys Glu
115 120 125

Glu Asn Ile Thr Ala Asn Gly Ile Gln Gly Gln Val Ser Ile Ile Asp
130 135 140

Asn Ala Gly Ala Thr Asn Arg Ser Asn Thr Asn Gly Asn Thr Asp Lys
145 150 155 160

Asn Thr Gln Asn Gly Asp Val Gly Asp Ala Gly His Asn Glu Asp Val
165 170 175

Ala Val Val Gln Glu Asp Gly Pro Gln Val Ala Gly Ser Asn Asn Ser
180 185 190

Thr Asp Asn Glu Asp Glu Ile Ile Glu Asn Ser Cys Arg Asn Glu Gly
195 200 205

Asn Thr Ser Glu Ile Thr Pro Gln Ile Asn Ser Lys Arg Asn Gly Thr
210 215 220

Lys Glu Ala Glu Val Thr Pro Gly Thr Gly Glu Asp Ala Gly Leu Asp
225 230 235 240

Asn Ser Asp Gly Ser Pro Ser Gly Asn Gly Ala Asp Glu Asp Glu Asp
245 250 255

Glu Gly Ser Gly Asp Asp Glu Asp Glu Glu Ala Gly Asn Gly Lys Asp
260 265 270

Ser Ser Asn Asn Ser Lys Gly Gln Glu Gly Gln Asp His Gly Lys Glu

275

280

285

Asp Asp His Asp Ser Ser Ile Gly Gln Asn Ser Asp Ser Lys Glu Tyr
 290 295 300
 Tyr Asp Pro Glu Gly Lys Glu Asp Pro His Asn Glu Val Asp Gly Asp
 305 310 315 320
 Lys Thr Ser Lys Ser Glu Glu Asn Ser Ala Gly Ile Pro Glu Asp Asn
 325 330 335
 Gly Ser Gln Arg Ile Glu Asp Thr Gln Lys Leu Asn His Arg Glu Ser
 340 345 350
 Lys Arg Val Glu Asn Arg Ile Thr Lys Glu Ser Glu Thr His Ala Val
 355 360 365
 Gly Lys Ser Gln Asp Lys Gly Ile Glu Ile Lys Gly Pro Ser Ser Gly
 370 375 380
 Asn Arg Asn Ile Thr Lys Glu Val Gly Lys Gly Asn Glu Gly Lys Glu
 385 390 395 400
 Asp Lys Gly Gln His Gly Met Ile Leu Gly Lys Gly Asn Val Lys Thr
 405 410 415
 Gln Gly Glu Val Val Asn Ile Glu Gly Pro Gly Gln Lys Ser Glu Pro
 420 425 430
 Gly Asn Lys Val Gly His Ser Asn Thr Gly Ser Asp Ser Asn Ser Asp
 435 440 445
 Gly Tyr Asp Ser Tyr Asp Phe Asp Asp Lys Ser Met Gln Gly Asp Asp
 450 455 460
 Pro Asn Ser Ser Asp Glu Ser Asn Gly Asn Asp Asp Ala Asn Ser Glu
 465 470 475 480
 Ser Asp Asn Asn Ser Ser Ser Arg Gly Asp Ala Ser Tyr Asn Ser Asp
 485 490 495
 Glu Ser Lys Asp Asn Gly Asn Gly Ser Asp Ser Lys Gly Ala Glu Asp
 500 505 510
 Asp Asp Ser Asp Ser Thr Ser Asp Thr Asn Asn Ser Asp Ser Asn Gly
 515 520 525

250030_ST25.txt

Asn Gly Asn Asn Gly Asn Asp Asn Asn Lys Ser Asp Ser Gly Lys
 530 535 540
 Gly Lys Ser Asp Ser Ser Asp Ser Asp Ser Ser Ser Asn Ser
 545 550 555 560
 Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Asp Ser Asp Ser Asn Ser
 565 570 575
 Ser Ser Asp Ser Asp Ser Ser Asp Ser Asp Ser Asp Ser Asp
 580 585 590
 Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
 595 600 605
 Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Lys Ser
 610 615 620
 Asp Ser Ser Lys Ser Glu Ser Asp Ser Ser Asp Ser Asp Ser Lys Ser
 625 630 635 640
 Asp Ser Ser Asp Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Asn Ser Asp Ser
 645 650 655
 Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
 660 665 670
 Asp Ser Ser Asp Ser Ser Ser Ser Ser Ser Asp Ser Ser Ser Ser Asp
 675 680 685
 Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser
 690 695 700
 Ser Glu Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Asp Ser Ser Asp
 705 710 715 720
 Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Asn Ser Ser Asp Ser Asp Ser Ser Asn
 725 730 735
 Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser
 740 745 750
 Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser
 755 760 765
 Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp
 770 775

250030_ST25.txt

Ser Asn Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser
785 790 795 800

Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
805 810 815

Asp Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser
820 825 830

Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
835 840 845

Asp Ser Ser Asp Ser Asp Ser Ser Asn Arg Ser Asp Ser Ser Asn Ser
850 855 860

Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser
865 870 875 880

Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Glu Ser Ser Asn Ser Ser Asp
885 890 895

Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
900 905 910

Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Glu
915 920 925

Ser Ser Asn Ser Ser Asp Asn Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser
930 935 940

Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser
945 950 955 960

Asn Ser Gly Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser
965 970 975

Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser
980 985 990

Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp
995 1000 1005

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp
1010 1015 1020

Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
1025 1030 1035

250030_ST25.txt

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp
1040 1045 1050

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Gly Ser Ser Asp
1055 1060 1065

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
1070 1075 1080

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Glu Ser Ser Asp
1085 1090 1095

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
1100 1105 1110

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
1115 1120 1125

Ser Ser Asn Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
1130 1135 1140

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
1145 1150 1155

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp
1160 1165 1170

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Asn Glu Ser Ser Asp
1175 1180 1185

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asn Ser Ser Asp
1190 1195 1200

Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Ser Asp Ser Thr Ser Asp Ser Asn
1205 1210 1215

Asp Glu Ser Asp Ser Gln Ser Lys Ser Gly Asn Gly Asn Asn Asn
1220 1225 1230

Gly Ser Asp Ser Asp Ser Asp Ser Glu Gly Ser Asp Ser Asn His
1235 1240 1245

Ser Thr Ser Asp Asp
1250

250030_ST25.txt

<211> 4221
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 8
 atgcaaaagt ccagggacagt ggccacttt cagtcttcaa agagaaagat aagaaattct 60
 ggattttcaa aatccttttg aagcctttta agccattgat tattattatt cctaagaaga 120
 atgaagataa ttacatatatt ttgcatttgg gcagtagcat ggccatttcc agttcctcaa 180
 agcaaaccac tggagagaca tgcgaaaaa tccatgaatt tgcattctct agcaagatca 240
 aatgtgtcag tacaggatga gttaaatgcc agtggaaacca tcaaagaag tggtgtcctg 300
 gtgcatgaag gtgatagagg aaggcaagag aatacccaag atggtcacaa gggagaaggg 360
 aatggctcta agtgggcaga agtaggaggg aagagttttt ctacatatc cacttagca 420
 aacgaagagg ggaatatga gggctggaat ggggacacag gaaaagcaga aacatatggt 480
 catgatggaa tacatgggaa agaagaaaac atcacagcaa atggcatcca gggacaagta 540
 agcatcattg acaatgtctg agccacaaac agaagcaaca ctaatggaaa tactgataag 600
 aatacccaaa atggggatgt tggcgatgca ggtcacaatg aggatgtcgc tgttgtccaa 660
 gaagatggac ctcaagtatg tgaagcaat aacagtacag acaatgagga tgaaataatt 720
 gagaattcct gtagaacga gggtaatata agtgaataa cacctcagat caacagcaag 780
 agaaatggga ctaaggaagc tgaggttaaca ccaggcactg gagaagatgc tggcctggat 840
 aattccgatg ggagtcctag tgggaatgga gcagatgagg atgaagacga gggttctggt 900
 gatgatgaag atgaagaagc agggaatgga aaagacagta gtaataacag caagggccag 960
 gaggggccagg accatgggaa agaagatgat catgatagta gcataggcca aaattcggat 1020
 agtaaagaat attatgacct tgaaggcaaa gaagatcccc ataatgaagt tgatggagac 1080
 aagacctcca agagtggagg gaattctgct ggtattccag aagacaatgg cagccaaaga 1140
 atagaggaca ccagaagct caaccataga gaaagcaaac gcgtagaaaa tagaatcacc 1200
 aaagaatcag agacacatgc tgttgggaag agccaagata agggaataga aatcaaggg 1260
 cccagcagtg gcaacagaaa tattaccaa gaagttggga aaggcaacga aggtaagag 1320
 gataaaggac aacatggaat gatcttgggc aaaggcaatg tcaagacaca aggagagggt 1380
 gtcaacatag aaggacctgg ccaaaaaatca gaaccaggaa ataaagttag acacagcaat 1440
 acaggtagtg acagcaatg tgatggatat gacagttatg attttgatga taagtccatg 1500
 caaggagatg atcccaatag cagtgatgaa tctaattggca atgatgatgc taattcagaa 1560
 agtgacaata acagcagtag ccgaggagat gcttcttata actctgatga atcaaaagat 1620
 aatggcaatg gcagtactc aaaaggagca gaagatgatg acagtgatag cacatcagac 1680
 actaataata gtgacagtaa tggcaatggt aacaatggga atgatgacaa tgacaatatca 1740

gacagtggca aaggtaaatc agatagcagt gacagtgata gtagtgatag cagcaatagc	1800
agtgatagta gtgacagcag tgacagtgc agcagtgata gcaacagtag cagtgtatgt	1860
gacagcagtg acagtgcagc cagtgtatgc agtgacagtg atagtagtga tagcagcaat	1920
agcagtgaca gtagtgacag cagtgtatgc agtgacagta gtgatatagtag tgacagcagt	1980
gacagcaagt cagacagcag caaatcagag agcgacagca gtgatatagtag cagtaagtca	2040
gacagcagtg acagcaacag cagtgcagc agtgacaaca gtgatatagtag cgacagcagc	2100
aatagcagta acagcagtg tagtagtgac agcagtgcag cgagtgcag cagcagtagc	2160
agtgacagca gcagtgcagc tgacagcagc aacagcagtg atagtagtga cagtgtgcac	2220
agcagcaata gcagtgcagc cagtgtatgt agtgacagca gtgatatagtag cagcagtgat	2280
agtagtgaca gcagtaatat taacagcagc gatatgtgaca gcagcaacag cagcgatagc	2340
agtgacagca gtgatatagc tgacagcagc aacagcagtg acagtgcga tagcagtgac	2400
agcagcaaca gcagtgcagc cagtgtatgc agtgacagca gtgatatagtag tgacagcagc	2460
aacagcagtg atagcaacga cagcagcaat agcagtgcag cgagtgcag cagcaacagc	2520
agtgatagca gcaacagcag tgatagcagc gatagcagtg acagcagtg tagcgacagc	2580
agcaatagca gtgacagcag taatagtagt gacagcagcg atagcagcaa cagcagtgat	2640
agcagcgaca gcagcgatag cagtgcagc agtgatagcg acagcagcaa tagaagtgac	2700
agtagtaata gtagtgacag cagcgatagc agtgacagca gcaacagcag tgacagcagc	2760
gatatagtg acagcagtg cagcaacgaa agcagcaata gcagtgcag cagtgtatgc	2820
agcaacagca gtgatatag cagcagtgat agcagcaaca gcagtgcag cagtgtatgc	2880
agcaacagca gtgatatagc tgaaagcagc aatagtagtg acaacagcaa tagcagtgac	2940
agcagcaaca gcagtgcagc cagtgtatgc agtgacagca gtaatagtag tgacagcagc	3000
aatagcggtg acagcagcaa cagcagtgac agcagtgcag gcaatagcag cgacagcagc	3060
gacagcagca acagcagcga tagcagtgac agcagtgcag gcagtgcag cagtgcagc	3120
agtgatagca gcaacagcag tgatagcagc gacagcagtg acagcagtg tagcagtaat	3180
agtagtgaca gcagcaacag cagtgcagc agcgatagca gtgacagcag cgatagcagc	3240
gacagcagtg acagcagcaa tagcagtgac agcagtgcag gcagcgacag cagtgtatgc	3300
agtgacagca gtggcagcag cgacagcagc gatagcagtg acagcagtg tagcagcgat	3360
agcagtgcag gcagcgacag cagtgcagc agtgacagca gtgaaagcag cgacagcagc	3420
gatagcagcg acagcagtg cagcagcgac agcagtgcag gcagcgatag cagcgacagc	3480
agcgacagca gcgatagcag tgacagcagc aatagcagtg atagcagcga cagcagtgat	3540
agcagtgcag gcagcgacag cagcgatagc agcgacagca gtgatatagtag tgatagcagc	3600
gacagcagtg acagcagcga cagcagtgac agcagcgaca gcagtgcag cagcgacagc	3660

250030_ST25.txt

agtgacagca atgaaagcag cgacagcagt gacagcagcg atagcagtga cagcagcaac 3720
 agcagtgaca gcagcgacag cagtgatagc agtgacagca catctgcagc caatgatgag 3780
 agtgacagcc agagcaagtc tggtaacggt aacaacaatg gaagtgcagc tgacagtgcac 3840
 agtgaagcca gtgacagtaa ccaactcaacc agtgcagtatt agaacaaaag aaaaacccat 3900
 aagattcctt ttgtgaaaag tttggtaatg ggtataggaaa aaaagatttc caagaaagta 3960
 aagaaagggg agaataaac ataagacgta tgtaacaaa aacaactggg ggaatcaaat 4020
 caaacagttg gattcagaac caagacctaa ctctgcaga gacagactct gaatgcatga 4080
 cctttgtgac atgcctgtta atattcatgt tctgaaaata tttgtttaa agtgtaaatc 4140
 taacataaa agaacaatta aaatattcct taataactca cacagaaaca attaaaaat 4200
 tctttaatac ttcacacaga a 4221

<210> 9
 <211> 396
 <212> PRT
 <213> BMP

<400> 9

Met Val Ala Gly Thr Arg Cys Leu Leu Ala Leu Leu Leu Pro Gln Val
1 5 10 15

Leu Leu Gly Gly Ala Ala Gly Leu Val Pro Glu Leu Gly Arg Arg Lys
20 25 30

Phe Ala Ala Ala Ser Ser Gly Arg Pro Ser Ser Gln Pro Ser Asp Glu
35 40 45

Val Leu Ser Glu Phe Glu Leu Arg Leu Leu Ser Met Phe Gly Leu Lys
50 55 60

Gln Arg Pro Thr Pro Ser Arg Asp Ala Val Val Pro Pro Tyr Met Leu
65 70 75 80

Asp Leu Tyr Arg Arg His Ser Gly Gln Pro Gly Ser Pro Ala Pro Asp
85 90 95

His Arg Leu Glu Arg Ala Ala Ser Arg Ala Asn Thr Val Arg Ser Phe
100 105 110

His His Glu Glu Ser Leu Glu Glu Leu Pro Glu Thr Ser Gly Lys Thr
115 120 125

Thr Arg Arg Phe Phe Phe Asn Leu Ser Ser Ile Pro Thr Glu Glu Phe
130 135 140

250030_ST25.txt

Ile Thr Ser Ala Glu Leu Gln Val Phe Arg Glu Gln Met Gln Asp Ala
 145 150 155 160
 Leu Gly Asn Asn Ser Ser Phe His His Arg Ile Asn Ile Tyr Glu Ile
 165 170 175
 Ile Lys Pro Ala Thr Ala Asn Ser Lys Phe Pro Val Thr Arg Leu Leu
 180 185 190
 Asp Thr Arg Leu Val Asn Gln Asn Ala Ser Arg Trp Glu Ser Phe Asp
 195 200 205
 Val Thr Pro Ala Val Met Arg Trp Thr Ala Gln Gly His Ala Asn His
 210 215 220
 Gly Phe Val Val Glu Val Ala His Leu Glu Glu Lys Gln Gly Val Ser
 225 230 235 240
 Lys Arg His Val Arg Ile Ser Arg Ser Leu His Gln Asp Glu His Ser
 245 250 255
 Trp Ser Gln Ile Arg Pro Leu Leu Val Thr Phe Gly His Asp Gly Lys
 260 265 270
 Gly His Pro Leu His Lys Arg Glu Lys Arg Gln Ala Lys His Lys Gln
 275 280 285
 Arg Lys Arg Leu Lys Ser Ser Cys Lys Arg His Pro Leu Tyr Val Asp
 290 295 300
 Phe Ser Asp Val Gly Trp Asn Asp Trp Ile Val Ala Pro Pro Gly Tyr
 305 310 315 320
 His Ala Phe Tyr Cys His Gly Glu Cys Pro Phe Pro Leu Ala Asp His
 325 330 335
 Leu Asn Ser Thr Asn His Ala Ile Val Gln Thr Leu Val Asn Ser Val
 340 345 350
 Asn Ser Lys Ile Pro Lys Ala Cys Cys Val Pro Thr Glu Leu Ser Ala
 355 360 365
 Ile Ser Met Leu Tyr Leu Asp Glu Asn Glu Lys Val Val Leu Lys Asn
 370 375 380
 Tyr Gln Asp Met Val Val Glu Gly Cys Gly Cys Arg

385

390

395

<210> 10
 <211> 1581
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 10
 ggggacttct tgaacttgca gggagaataa ctctgcgacc ccactttgcy ccggtgcctt 60
 tgccccagcg gagctgctt cgccatctcc gagccccacc gccctccac tcctcgccct 120
 tgcccgacac tgagacgctg ttcccagcgt gaaaagagag actgcgcggc cggcagccgg 180
 gagaaggagg aggcaaagaa aaggaaacgga cattcggctc ttgcgccagg tcctttgacc 240
 agagtttttc catgtggacg ctctttcaat ggacgtgtcc ccgctgctt cttagacgga 300
 ctgcggcttc cttaaagtcg accatggtgg cgggacccg ctgtcttcta gcgttgctgc 360
 ttcccagggt cctctgggc ggcgcggctg gcctcgttcc ggagctgggc cgcaggaagt 420
 tcgcgccggc gtcgtcgggc cgccctcat ccagccctc tgacgaggtc ctgagcgagt 480
 tcgagttgcy gctgctcagc atgttcggcc tgaaacagag acccaccccc agcagggacg 540
 ccgtggtgcc ccctcatg ctgacacctgt atcgcaggca ctcaggtcag ccgggtccac 600
 ccgcccaga ccaccggtg gagagggcag ccagccgagc caactctgtg cgcagcttcc 660
 accatgaaga atctttgaa gaactaccag aaacgagtgg gaaaacaacc cggagattct 720
 tctttaattt aagtctatc ccacggagg agtttatcac ctcagcagag cttcaggttt 780
 tccgagaaca gatgcaagat gctttaggaa acaatagcag ttccatcac cgaattaata 840
 ttatgaaat cataaaacct gcaacagcca actcgaaatt cccgtgacc agacttttgg 900
 acaccaggtt ggtgaattcag aatgcaagca ggtgggaaag tttgatgtc acccccgctg 960
 tgatgcggtg gactgcacag ggacacgcca accatggatt cgtggtggaa gtggccact 1020
 tgaggagaa acaagggtgc tccaagagac atgttaggat aagcaggtct ttgcaccaag 1080
 atgaacacag ctggtcacag ataaggccat tgctagtaac tttggccat gatggaaaag 1140
 ggcattctct ccacaaaaga gaaaaacgtc aagcacaaca caaacagcgg aaacgcctta 1200
 agtcagctg taagagacac ctttgtacg tggacttcag tgacgtgggg tggaaatgact 1260
 ggattgtggc tccccgggg tatcacgct tttactgcca cggagaatgc cttttcttc 1320
 tggctgatca tctgaactcc actaatcatg ccattgttca gacgttggtc aactctgtta 1380
 actctaagat tcctaaggca tgctgtgtcc cgacagaact cagtgtatc tcgatgtgt 1440
 accttgacga gaatgaaaag gttgtattaa agaactatca ggacatggtt gtggaggggt 1500
 gtgggtgtcg ctagtacagc aaaattaaat acataaatat atatatagta cagcaaaatt 1560
 aaatacataa atatatatat a 1581

250030_ST25.txt

```

<210> 11
<211> 42
<212> DNA
<213> Unknown

<220>
<223> Synthetic

<400> 11
ggatggagct gatatcatcct cttcttgga gcaacagcta ca 42

<210> 12
<211> 34
<212> DNA
<213> Unknown

<220>
<223> Synthetic

<400> 12
ctaattgaga catggagagt ggcagccgtg gaga 34

<210> 13
<211> 34
<212> DNA
<213> Unknown

<220>
<223> Synthetic

<400> 13
gcattctaga ttaaagcacc cgccattcaa atcg 34

<210> 14
<211> 21
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Forward primer for human Runx2

<400> 14
aaccacgaa tgactatcc a 21

<210> 15
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Reverse primer for human Runx2

<400> 15
cggacatacc gagggacatg 20

<210> 16
<211> 28

```

250030_ST25.txt

```

<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Probe for human Runx2

<400> 16
cctttactta caccgcgcca gtcacctc
18

<210> 17
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Forward primer for human Osx

<400> 17
ccccacctct tgcaacca
18

<210> 18
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Reverse primer for human Osx

<400> 18
ccttctagct gccactatt tcc
23

<210> 19
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Probe for human Osx

<400> 19
ccagcatgtc ttgcccgaag atgtcta
27

<210> 20
<211> 21
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Forward primer for human Alp

<400> 20
ccgtggcaac tctatctttg g
21

<210> 21
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

```


250030_ST25.txt

<220>
 <223> Reverse primer for human Alp
 <400> 21 20
 gccatacagg atggcagtga
 <210> 22
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Probe for human Alp
 <400> 22 28
 catgctgagt gacacagaca agaagccc
 <210> 23
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Forward primer for human Ocn
 <400> 23 20
 agcaaagggtg cagcctttgt
 <210> 24
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Reverse primer for human Ocn
 <400> 24 19
 gcgctgggt ctcttctact
 <210> 25
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Probe for human Ocn
 <400> 25 21
 cctcgctgcc ctctgcttg g
 <210> 26
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Forward primer for human Bsp

<400> 26
 aacgaagaaa gcgaagcaga a 21

<210> 27
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Reverse primer for human Bsp

<400> 27
 tctgcctctg tgctgttggt 20

<210> 28
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Probe for human Bsp

<400> 28
 aaaacgaaca aggcataaac ggcacca 27

<210> 29
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Forward primer for mouse Runx2

<400> 29
 aaatgcctcc gctgttatga a 21

<210> 30
 <211> 18
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Reverse primer for mouse Runx2

<400> 30
 gctccggccc acaaatct 18

<210> 31
 <211> 26
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Probe for mouse Runx2

<400> 31
 aaccaagtag ccaggttcaa cgatct 26

250030_ST25.txt

```

<210> 32
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Forward primer for mouse Osx

<400> 32
cccttctcaa gcaccaatgg                                20

<210> 33
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Reverse primer for mouse Osx

<400> 33
aggggtgggta gtcatttgca tag                            23

<210> 34
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Probe for mouse Osx

<400> 34
caggcagttcc tccggcccc                                19

<210> 35
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Forward primer for mouse Alp

<400> 35
ccgatggcac acctgctt                                  18

<210> 36
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Reverse primer for mouse Alp

<400> 36
gaggcatatg ccatcacatg                                20

<210> 37
<211> 27

```

```

<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Probe for mouse Alp

<400> 37
cggcgtccat gacgagaact acattcc
27

<210> 38
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Forward primer for mouse Ocn

<400> 38
ccgggagcag tgtgagctta
20

<210> 39
<211> 21
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Reverse primer for mouse Ocn

<400> 39
aggcggcttt caagccatac t
21

<210> 40
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Probe for mouse Ocn

<400> 40
ccctgcttgt gacgagctat cag
23

<210> 41
<211> 21
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Forward primer for mouse Bsp

<400> 41
acccaagca cagacttttg a
21

<210> 42
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

```

250030_ST25.txt

```

<220>
<223> Reverse primer for mouse Bsp

<400> 42
ctttctgcat ctccagcctt ct 22

<210> 43
<211> 21
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Probe for mouse Bsp

<400> 43
ttagcggcac tccaactgcc c 21

```